AMENDMENTS TO THE SPECIFICATION

Please amend Table 4 on page 76 as follows:

Table 4: PCR Primers

Reference SNP ID	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
1056538	GACAGCCACAGCTAGCGCAGA	<u>19</u>	TGTTTTCGCCCCCAGGGTGAC	<u>20</u>
1541998	CTGATTATTCTGATGGTAATG	21	GCCCATGTTAACATTTTCTTC	<u>22</u>
2001449	ATGTCAAGTGCACCCACATG	<u>23</u>	AGGAAGAAACTGACGGAAGG	<u>24</u>
673478	TAATACAAAGGTGGCAGCAG	25	TTGACAAGGATAAGGACAAG	<u>26</u>
4237	GCACATGGCCACATTAACTGG	<u>27</u>	TGGCTGTGGAAATTGGGTCTTG	<u>28</u>

Please amend Table 5 on page 77 as follows:

Table 5: Extend Primers

Reference SNP ID	Extend Probe	SEQ ID NO.	Term Mix
1056538	CCCAGGGTGACGTTGCAGA	<u>29</u>	ACG
1541998	ATTATTCTGATGGTAATGATCCAG	<u>30</u>	ACG
2001449	CACATGCCTGCTCGCCCCC	<u>31</u>	ACT
673478	AAGGGAGGTCGACTGGG	<u>32</u>	ACT
4237	GGCATCTGGCAGTCATGG	<u>33</u>	ACT ·

Please amend Table 10 on pages 83-85 as follows:

Table 10

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
5498	ACGTTGGATGCTCACAGAGCACATTCACGG	<u>34</u>	ACGTTGGATGAGATCTTGAGGGCACCTACC	<u>35</u>
11115	ACGTTGGATGAGGTGACACCTTCCTCGAAG	<u>36</u>	ACGTTGGATGTGAAGCACCTCTTCTGAG	<u>37</u>
11115	ACGTTGGATGGTCCAGGTGACACCTTCCTC	<u>38</u>	ACGTTGGATGAAGCACCTCTTCTGAGCCAG	<u>39</u>
56901	ACGTTGGATGGTCCAGGTGACACCTTCCTC	<u>40</u>	ACGTTGGATGAAGCACCTCTTCTGAGCCAG	<u>41</u>
240914	ACGTTGGATGTTCAACAAGCGAGTGACAGC	42	ACGTTGGATGGTGCAGAGATGGGCTTTCTC	<u>43</u>
254615	ACGTTGGATGTGTAGATGGTCACGTTCTCC	44	ACGTTGGATGATCTGAGTCCTGATGTCACC	<u>45</u>
254615	ACGTTGGATGTTGCAGCTTTAAGCTAAGGC	<u>46</u>	ACGTTGGATGAGCCCAGGAGACTTAATTAC	<u>47</u>
272539	ACGTTGGATGTACAGACCCCTCTACCCCTTC	48	ACGTTGGATGAGGTGACACCTTCCTCGAAG	<u>49</u>
281412	ACGTTGGATGTGACCTCAGGTGATTCACCC	<u>50</u>	ACGTTGGATGGGTATACCTTTAGCTGGCTG	<u>51</u>
281413	ACGTTGGATGTCAAAGCTCACAGTTCTCGG	<u>52</u>	ACGTTGGATGACTTAGCGGGTCCTGCAAAC	<u>53</u>
281414	ACGTTGGATGAAGGCACCTTCCTCTGTCAG	<u>54</u>	ACGTTGGATGTGGGCCACAACACGGATGGTA	<u>55</u>

Serial No. 10/723,681 Docket No. 524592006900

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
281415	ACGTTGGATGGCACAAAGAGCTAAGGTAGG	<u>56</u>	ACGTTGGATGGAATCCTGGATAGACAGTGG	<u>57</u>
281416	ACGTTGGATGTAACGTAGAGCACAGGTGAG	<u>58</u>	ACGTTGGATGCAACGCAAACACCAGTGTGG	<u>59</u>
281417	ACGTTGGATGAAGAGACAGTGGAGAGGCTG	<u>60</u>	ACGTTGGATGAGAGCCATCGGGTCCCAGCAA	<u>61</u>
281418	ACGTTGGATGTGCGCTCAGTCAGCTTCCTC	<u>62</u>	ACGTTGGATGAGTGTTAGCCGAGGGCAAGC	<u>63</u>
281420	ACGTTGGATGCCAGGACTGTCTCTCTTTT	<u>64</u>	ACGTTGGATGATGACACTACAGCCTGAGCA	<u>65</u>
281421	ACGTTGGATGAGTGTTGCTTTGTCACCCAG	66	ACGTTGGATGAGGAGAATCGCTTGTACCTG	<u>67</u>
281422	ACGTTGGATGAGAAATCCTCCTACCTTGGC	<u>68</u>	ACGTTGGATGGCCCGGCCTCTACATAAAAT	<u>69</u>
281423	ACGTTGGATGAACCTCAAGCTGCTTCACTG	70	ACGTTGGATGGAGGAGCCCACCTTTAATGT	71
281424	ACGTTGGATGACCTGTGTTTCTAGGTGTGC	72	ACGTTGGATGCATGCCTGGGAAAAAACTCC	73
281426	ACGTTGGATGATCCTCACACCTCAGTCTCC	74	ACGTTGGATGAATGAGACTCCGTCTCTACC	<u>75</u>
281427	ACGTTGGATGGACAATTGTAGTACCCAGCC	<u>76</u>	ACGTTGGATGAGGAGAATCGCTTGAACCTG	77
281428	ACGTTGGATGAGTAGCTGGAATTACAGGCG	<u>78</u>	ACGTTGGATGGCCAACATGATGAAATCCCG	<u>79</u>
281431	ACGTTGGATGACTGGGATTACAGGTGTGAG	80	ACGTTGGATGGAGAAATCTTGATGGAGGC	<u>81</u>
281432	ACGTTGGATGAGCTGGGACTTTCCTTCTTG	<u>82</u>	ACGTTGGATGCAGTAAATCCAGCCTTCAGC	<u>83</u>
281434	ACGTTGGATGCCACGCCTGGCTAATTTTTG	<u>84</u>	ACGTTGGATGGGTCAGGAGTTCAAGACCAG	<u>85</u>
281436	ACGTTGGATGCATGGTTCACTGCAGTCTTG	<u>86</u>	ACGTTGGATGTGTGGTGTTGTGAGCCTATG	<u>87</u>
281437	ACGTTGGATGATAGGCTCACAACACCACAC	<u>88</u>	ACGTTGGATGAACACAAAGGAAGTCTGGGC	<u>89</u>
281437	ACGTTGGATGATAGGCTCACAACACCACAC	90	ACGTTGGATGAACACAAAGGAAGTCTGGGC	<u>91</u>
281438	ACGTTGGATGACCTGAGGTTTCCTCACTCAG	92	ACGTTGGATGAGAGGTTTCTGTGACACCCG	<u>93</u>
281439	ACGTTGGATGGCGGAGCCATACCTCTAAGC	94	ACGTTGGATGTCGCTGGCACTTTCGTCCC	<u>95</u>
281440	ACGTTGGATGCTGGCTGAGATGCCATGATA	<u>96</u>	ACGTTGGATGATGGTGGGAGGAGCTAAATG	<u>97</u>
281440	ACGTTGGATGGCCATGATAATAAGCTGGAC	<u>98</u>	ACGTTGGATGTCTTAGTCCCCAAATGTATC	<u>99</u>
368835	ACGTTGGATGGGTGGGAAAAAGACGTGAAG	<u>100</u>	ACGTTGGATGAGAGGGAATTAAGGAGGTCC	<u>101</u>
378395	ACGTTGGATGAATTCCGTGGGATGAGGAAT	<u>102</u>	ACGTTGGATGACCGTGTTTTCCAGGCTCGCG	<u>103</u>
378395	ACGTTGGATGACTTGGCCCCCTGCACTCACA	<u>104</u>	ACGTTGGATGACCGTGTTTTCCAGGCTCGCG	<u>105</u>
430092	ACGTTGGATGGTTGGGATTACAGGCATGAG	<u>106</u>	ACGTTGGATGATCTGTTGCCTGTCAAGATG	<u>107</u>
473241	ACGTTGGATGGCCATGATAATAAGCTGGAC	<u>108</u>	ACGTTGGATGAAATGTATCCCCGCCCTAAG	<u>109</u>
547878	ACGTTGGATGTACTCAGGAGGCTGAGGTG	<u>110</u>	ACGTTGGATGCATGGTTCACTGCAGTCTTG	<u>111</u>
827786	ACGTTGGATGGCGGAGCCATACCTCTAAGC	<u>112</u>	ACGTTGGATGTCGCTGGCACTTTCGTCCC	<u>113</u>
827787	ACGTTGGATGCTGGCTGAGATGCCATGATA	114	ACGTTGGATGATGGTGGGAGGAGCTAAATG	<u>115</u>
885743	ACGTTGGATGTGAGAGAAGGCGATCTTGAC	<u>116</u>	ACGTTGGATGCCAATTCACAATCCACTGTG	<u>117</u>
885743	ACGTTGGATGTGAGAGAGGCGATCTTGAC	<u>118</u>	ACGTTGGATGCCAATTCACAATCCACTGTG	<u>119</u>
892188	ACGTTGGATGGTTTGTTTTAGAGACAGGG	<u>120</u>	ACGTTGGATGGTCAAAGCCACTTCCAGCTA	<u>121</u>
901886	ACGTTGGATGCGATCTGGTCGCTCTGCAAG	<u>122</u>	ACGTTGGATGGCCCCACCTTCTGTTCCAAG	<u>123</u>
923366	ACGTTGGATGTCTGGGCAATGTTGCAAGAC	<u>124</u>	ACGTTGGATGATAGGCTCACAACACCACAC	<u>125</u>
923366	ACGTTGGATGTCTGGGCAATGTTGCAAGAC	<u>126</u>	ACGTTGGATGATAGGCTCACAACACCACAC	<u>127</u>
1045384	ACGTTGGATGGTGCAGAGATGGGCTTTCTC	<u>128</u>	ACGTTGGATGAGATGGGCACAATGTCCGAC	<u>129</u>
1056538	ACGTTGGATGACTGCCACAGCCACAGCTAG	130	ACGTTGGATGTTTTCGCCCCCCAGGGTGA	131
1057981	ACGTTGGATGGTACAACTGTACCTGGTGAC	<u>132</u>	ACGTTGGATGAATGAACATAGGTCTCTGGC	133
1058154	ACGTTGGATGTCCCTTCCATCCTCATTTTT	<u>134</u>	ACGTTGGATGTGCAAGGCGCTAAACAAAAC	<u>135</u>
1059840	ACGTTGGATGTCGGCCTGGCTCAGAAGAGG	<u>136</u>	ACGTTGGATGACCCCTACCCACGCTACCCA	137
1059849	ACGTTGGATGGGAATGCAGAAGCCCG	138	ACGTTGGATGAAGCTGAGGCCACAGGGAG	139
1059849	ACGTTGGATGAATGGATGCAGAAGCCCGTC	140	ACGTTGGATGATTCCACGGAGGAAGCTGAG	141
1333881	ACGTTGGATGATCAGCTCTACGCGATCTGG	142	ACGTTGGATGTTCAGGCCCCACCTTCTGTTC	143
1799969	ACGTTGGATGTCAACCTCTGGTCCCCCAGTG		ACGTTGGATGAGGGGACCGTGGTCTGTTC	145
1799969	ACGTTGGATGTTGCCATAGGTGACTGTGGG	146	ACGTTGGATGTCCTAGAGGTGGACACGCAG	<u>147</u>

dbSNP	Forward	SEQ ID	Reverse	SEQ ID
rs#	PCR primer	<u>NO.</u>	PCR primer	NO.
2075741	ACGTTGGATGAAGATGCCAGTCCGTGGACC	<u>148</u>	ACGTTGGATGCTGGAGACCCAGTGTCTCTC	149
2228615	ACGTTGGATGGGGCAGATGGTGACAGTAAC	<u>150</u>	ACGTTGGATGTGGAACTCCCTCCAGTGTGA	<u>151</u>
2228615	ACGTTGGATGGGGCAGATGGTGACAGTAAC	<u>152</u>	ACGTTGGATGTGGAACTCCCTCCAGTGTGA	<u>153</u>
2230399	ACGTTGGATGAGCGGCAGTTACCATGTTAG	<u>154</u>	ACGTTGGATGTTCTTCCCCCATTGCTTCTG	<u>155</u>
2230399	ACGTTGGATGAGCGGCAGTTACCATGTTAG	<u>156</u>	ACGTTGGATGTTCTTCCCCCATTGCTTCTG	<u>157</u>
2278442	ACGTTGGATGGGTGATGGACATTGAGGGTG	<u>158</u>	ACGTTGGATGTCCCTTCTGTCTCCAACCC	<u>159</u>
2278442	ACGTTGGATGTCGTGGTGATGGACATTGAG	<u>160</u>	ACGTTGGATGAAGTCAATATGCGTCCCTTC	<u>161</u>
2291473	ACGTTGGATGAAGAGGCTATGTGGCAGATG	<u>162</u>	ACGTTGGATGAGGGTGAAGCTGGGTTTAAC	<u>163</u>
2304237	ACGTTGGATGTGGGCCAGAACTTCACCCTG	<u>164</u>	ACGTTGGATGAAGCAGCACCACCGTGAGG	<u>165</u>
2304240	ACGTTGGATGAATCTCAGCAACGTGACTGG	<u>166</u>	ACGTTGGATGACACGGTGATGTTAGAGGAG	<u>167</u>
2304240	ACGTTGGATGAATCTCAGCAACGTGACTGG	<u>168</u>	ACGTTGGATGACACGGTGATGTTAGAGGAG	<u>169</u>
2358581	ACGTTGGATGTAAGGCAGGAGGATGGAGTG	<u>170</u>	ACGTTGGATGGACAGAGTCTCACTCTGTCG	<u>171</u>
2358583	ACGTTGGATGAAGACGTGAAGAGACACACC	<u>172</u>	ACGTTGGATGAGAGGGAATTAAGGAGGTCC	<u>173</u>
2569693	ACGTTGGATGCTTGTTCTCGCGTGGATGTC	<u>174</u>	ACGTTGGATGTACTCAGCGTGTGTGAGCTC	<u>175</u>
2569702	ACGTTGGATGACCCTCCAGACCTTGAACCA	<u>176</u>	ACGTTGGATGACGTAACGCTAACGGTGGAG	<u>177</u>
2569702	ACCTTGGATGATACCCTACTCCTACTCTTC	<u>178</u>	ACGTTGGATGTCAAGGACGTAACGCTAACG	<u>179</u>
2569703	ACGTTGGATGTCAGGAAGCTCCCAGACAGA	<u>180</u>	ACGTTGGATGATAACCCTTGGACGCCGATC	<u>181</u>
2569703	ACGTTGGATGTTAGACGAAAAAGGCGCCAC	<u>182</u>	ACGTTGGATGTTGTCCCTGCATAACCCTTG	<u>183</u>
2569707	ACGTTGGATGTGAGCGTGGCAGGCGCCATG	<u>184</u>	ACGTTGGATGGCGTGCGCGTGCGCGT	<u>185</u>
2884487	ACGTTGGATGTGTGGCAAATGATGGAACAG	<u>186</u>	ACGTTGGATGCCAGAAGTTTGAGATCTGCC	<u>187</u>
2916060	ACGTTGGATGGCGAGGTATCTGAGAGGG	<u>188</u>	ACGTTGGATGTACTCTGTCCCACTTCCGTC	<u>189</u>
3093029	ACGTTGGATGGGCAGCTCTGATTGGATGTT	190	ACGTTGGATGCTCCACAGTTGTTTGGCCTC	<u>191</u>
3093030	ACGTTGGATGAGAGACCCAGAAGGTCATAG	<u>192</u>	ACGTTGGATGCCTCCCCCAAGAAAACATTG	<u>193</u>
3093032	ACGTTGGATGGGCCACTTCTTCTGTAAGTC	<u>194</u>	ACGTTGGATGCATGAGGACATACAACTGGG	<u>195</u>
3093033	ACGTTGGATGAAAGCCTGGAATAGGCACAC	<u>196</u>	ACGTTGGATGTGCAGACAGTGACCATCTAC	<u>197</u>
3093035	ACGTTGGATGGGAGACATAGCGAGATTCTG	<u>198</u>	ACGTTGGATGTAGAAAGCAGTGCGATCTGG	<u>199</u>
3176764	ACGTTGGATGAAATCGTTTGAACCCGGGAG	200	ACGTTGGATGGTTTTGAGACAGAGTCTCAC	<u>201</u>
3176766	ACGTTGGATGTTTCGGGCTGCAATGGTCCC	<u>202</u>	ACGTTGGATGTAACACCTCTCTCCTTGTGC	<u>203</u>
3176767	ACGTTGGATGCGGTCTCTGATGGATTCTAC	<u>204</u>	ACGTTGGATGAACAGGCCCCACCATTTAAC	205
3176768	ACGTTGGATGGAGAGGTGTTAAATGGTGGG	<u>206</u>	ACGTTGGATGGGAACATGAAGAAGTCCTGG	<u>207</u>
3176769	ACGTTGGATGTTCCTGTTTATGGCCAGACG	<u>208</u>	ACGTTGGATGGTCTGAACCTGATTGGAGAG	<u>209</u>
3181049	ACGTTGGATGATCTTCAGGGATGGTCACTC	<u>210</u>	ACGTTGGATGGACAAATACAAAGGGACAGG	<u>211</u>
3745261	ACGTTGGATGACACACAGCAGGGCATCCGT	212	ACGTTGGATGCGCAATCAATGCTTTCCACC	213
3745263	ACGTTGGATGTACATGAAGAAGGACTCGGC	214	ACGTTGGATGATCCGTCCAGTGCACGTAGA	<u>215</u>
3745264	ACGTTGGATGCAAAGTGCTAGGATCACAGG	216	ACGTTGGATGACTGCCCCATAGAGTGGCAA	217
FCH-0994	ACGTTGGATGTTTTCGCCCCCCAGGGTGAC	218	ACGTTGGATGACAGCCACAGCTAGCGCAGA	219

Please amend Table 11 on pages 85-87 as follows:

Table 11

	T	
_ ``		Term Mix
	1	
		CGT
		ACT
		ACT
AAGGGTGGGCGTGGGCCT	 	ACT
ACAATGTCCGACTCCCACA		ACT
CCAGGGTGACGTTGCAGA	<u>225</u>	ACG
TAAGGCAAAGTTCAGCTACTTA	<u>226</u>	CGT
ACCCCGTACCACTGTTGA	<u>227</u>	CGT
GCTGGGATTATAAGCGTG	<u>228</u>	ACT
GCTCACAGTTCTCGGCAGGAC	<u>229</u>	ACG
CCTTCCTCTGTCAGAATGGC	<u>230</u>	ACG
GGTGATTTGGGGACAGCTGA	<u>231</u>	ACT
GGTCCACACCGACGCCAG	<u>232</u>	ACT
CCCTGCCCAGGACACCCC	<u>233</u>	ACT
TCAGCTTCCTCCCCC	<u>234</u>	ACT
ACTGTCTCTCTGTTTTTGAGAT	<u>235</u>	ACT
GCTTTGTCACCCAGGCTGGA	236	ACT
CTGGGGAACTACAGGAATGC	237	ACT
GCCCACCCTCCATTCAGC	238	ACG
TAGGTGTGCGTGTGTGTG	239	ACG
GAGCTGGGACCACAGGCA	240	ACG
		ACG
GCGCCCAGCACCACGCC	242	ACG
ACAGGTGTGAGCCACTGC	243	ACT
GGGAGTCATGGAGGGTTT	-	ACT
TAGAGACGGGGTTTCACTAT	245	ACT
ACTGCAGTCTTGACCTTTTG		ACT
TTTTTTTCCAGAGACGGGGTCT	247	ACG
TTTTTCCAGAGACGGGGTCT	248	ACG
CGAAGCCCCAGACTCTGTGTA	249	ACT
		ACT
TAATAAGCTGGACTCCGAGC		ACG
TAATAAGCTGGACTCCGAGC		ACG
AGACGTGAAGAGACACACCT		ACT
		ACT
		ACT
		ACG
· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·		ACG
		ACG
		ACT
		ACG
	CCAGGGTGACGTTGCAGA TAAGGCAAAGTTCAGCTACTTA ACCCCGTACCACTGTTGA GCTGGGATTATAAGCGTG GCTCACAGTTCTCGGCAGGAC CCTTCCTCTGTCAGAATGGC GGTGATTTGGGGACAGCTGA GGTCACACCGACGCCAG CCCTGCCCAGGACACCCC TCAGCTTCCTCCTCCCC ACTGTCTCTCTGTTTTTGAGAT GCTTTGTCACCCAGGCTGGA CTGGGGAACTACAGGAATGC GCCCACCCTCCATTCAGC TAGGTGTGCGTGTGTGTG GAGCTGGGACCACAGCCA CTTTGTATACAATCTTCCCTC GCGCCCAGCACCACGCC ACAGGTGTGAGCCACTGC GCGCCAGCACCACGCC TAGGTGTGAGCCACTGC GCGCCAGCACCACGCC TCAGGTGTGAGCCACTGC GCGCCAGCACCACGCC ACAGGTGTGAGCCACTTTATTTCCCTC GCGCCCAGCACCACGCC ACAGGTGTGAGCCACTGC GGGAGTCATGGAGGGTTT TAGAGACGGGGTTTCACTAT ACTGCAGTCTTGACCTTTTG TTTTTTCCAGAGACGGGGTCT CGAAGCCCCAGACTCTGTGTA ACCCCTCCGGGTCAGCTCC TAATAAGCTGGACTCCCAGCC	Primer NO. CAGAGCACATTCACGGTCACCT 220 AAGGGTGGGCGTGGGCCT 221 AAGGGTGGGCGTGGGCCT 223 ACAATGTCCGACTCCCACA 224 CCAGGGTGACGTTGCAGA 225 TAAGGCAAAGTTCAGCTACTTA 226 ACCCCGTACCACTGTTGA 227 GCTGGGATTATAAGCGTG 228 GCTCACAGTTCTCGGCAGGAC 229 CCTTCCTCTGTCAGAATGGC 230 GGTGATTTGGGGACAGCTGA 231 GGTCATCACCGAGCCAG 232 CCCCTGCCCAGGACACCCC 233 TCAGCTTCCTCCCTCCCC 234 ACTGTCTCTCTGTTTTTGAGAT 235 GCTTTGTCACCCAGGCTGA 236 CTGGGGAACTACAGGAATGC 237 GCCCACCCTCCATTCAGC 238 TAGGTGTGCGTGTGTGTG 239 GAGCTGGGACCACAGGCA 240 CTTTGTATACAATCTTCCCTC 241 GCGCCCAGCACCACGCC 242 ACAGGTGTGAGCTCTC 243 GGGAGTCATGGAGCACCACGC 242 ACAGGTGTAGACCACTGC 243 GGGAGTCATGGAGCCACTGC

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
885743	GACCCTCTCTCCCTCCA	261	CGT
885743	GACCCTCTCTCCCTCCA	262	CGT
892188	TGGGCTGGAGCACAATGAC	263	ACT
901886	GAGTCCGCAGCTCTTTGAAC	264	ACT
923366	TTGCAAGACCCCGTCTCTG	265	ACT
923366	TTGCAAGACCCCGTCTCTG	266	ACT
1045384	CCAGTCCCCTGCTGTCTGT	267	CGT
1056538	GAGGGTGCCAGGCAGCTG	268	ACT
1057981	TACCTGGTGACCTTGAATGTGAT	269	ACG
1058154	CTTCCATCCTCATTTTTTTTATT	270	ACT
1059840	GCTCAGAAGAGGTGCTTCAC	271	CGT
1059849	CAGAAGCCCGTCTGGGCT	272	ACG
1059849	CAGAAGCCCGTCTGGGCT	273	ACG
1333881	AGAGTCCGCAGCTCTTTGAAC	274	ACT
1799969	CCGAGACTGGGAACAGCC	275	ACG
1799969	CCGAGACTGGGAACAGCC	276	ACG
2075741	GGACCATGGTGCACAGCA	277	ACT
2228615	AGTAACCTGCGCAGCTGGG	278	ACT
2228615	GTAACCTGCGCAGCTGGG	279	ACT
2230399	GTTACCATGTTAGGGAGGAGA	280	ACT
2230399	ACCATGTTAGGGAGGAGA	281	ACT
2278442	GGACATTGAGGGTGAGCTAA	282	ACG
2278442	ACATTGAGGGTGAGCTAA	283	ACG
2291473	GGAGTGTCCCTGGACCCC	284	ACT
2304237	TGCGCTGCCAAGTGGAGG	<u>285</u>	ACT
2304240	GCTCAGTGTACTGCAATGGCTC	<u>286</u>	ACG
2304240	AGTGTACTGCAATGGCTC	<u>287</u>	ACG
2358581	CTTGCAGTGAGCCCAGATCG	288	CGT
2358583	AAGAGACACACCTAATTTGTGG	289	ACT
2569693	CGCGTGGATGTCAGGGCC	<u>290</u>	ACG
2569702	CAGACCTTGAACCAGATAGAA	<u>291</u>	ACT
2569702	ACCTTGAACCAGATAGAA	<u>292</u>	ACT
2569703	CTCCCAGACAGAGTGCATG	<u>293</u>	ACT
2569703	TCCCAGACAGAGTGCATG	<u>294</u>	ACT
2569707	GGCGAGTACGAGTGCGCA	<u>295</u>	ACT
2884487	AGAGACAGGGTCTCGCC	<u>296</u>	ACT
2916060	CTCCCTCTCGGTCCCGG	297	ACT
3093029	AGTTTCCTATCCCAGCC	<u>298</u>	ACT
3093030	CCAGAACCTCAGGGTATG	<u>299</u>	
3093032	CTTCTGTAAGTCTGTGGG	300	
3093033	GGGTTCAGGTCACACCC	<u>301</u>	ACG
3093035	TTCTGTCTCAAAAAACAAAGC	302	ACT
3176764	CCCGCCACTGCACTCCA	303	ACT
3176766	TCCTTCTGAGTTCTCCC	<u>304</u>	ACG

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
3176767	TGGATTCTACCTTTCCC	<u>305</u>	CGT
3176768	TGTTGATGCGTGGGTTGGGG	<u>306</u>	ACT
3176769	CGGGGTGGGTGGATCAA	<u>307</u>	ACT
3181049	ACTCCCTGCCCTGGCCC	<u>308</u>	ACT
3745261	GCAGCTGCACCGACAGTTC	<u>309</u>	ACT
3745263	TCGGCTGCCGTGCCAAGTC	<u>310</u>	ACT
3745264	ATACCATGCCAGGCATT	<u>311</u>	ACT
FCH-0994	CCCAGGGTGACGTTGCAGA	<u>312</u>	ACG

Please amend Table 13 on page 90 as follows:

Table 13

dbSNP rs#	Second PCR primer	SEQ ID NO.	First PCR primer	SEQ ID NO.
1801714	ACGTTGGATGAGGGTTGCAGAGCAGGAGAA	<u>313</u>	ACGTTGGATGAGCCAAGGTGACGCTGAATG	<u>314</u>
2228615	ACGTTGGATGAGATGGTGACAGTAACCTGC	<u>315</u>	ACGTTGGATGTGGCATTTAGCTGAAGCTGG	<u>316</u>

Please amend Table 14 on pages 90 as follows:

Table 14

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
1801714	CCTTCAGCAGGAGCTGGGCCCTC	<u>317</u>	ACT
2228615	TAACCTGCGCAGCTGGG	318	ACT

Please amend Table 17 on pages 93-94 as follows:

Table 17

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
958	ACGTTGGATGATCCGCATGTGTCTGTATTC	<u>319</u>	ACGTTGGATGCCCAGTGCATTATGTCTTGG	<u>320</u>
1201	ACGTTGGATGTGCCAGTGCTCTGAAAACTG	<u>321</u>	ACGTTGGATGCCTGTGGTCTCTATTGCTTG	<u>322</u>
1201	ACGTTGGATGACAAGAATGCCAGTGCTCTG	323	ACGTTGGATGCCTGTGGTCTCTATTGCTTG	<u>324</u>
1202	ACGTTGGATGTAATCTCAGAATGGCAGCAC	325	ACGTTGGATGTCAAGCAATAGAGACCACAG	<u>326</u>
	ACGTTGGATGTTCAAGAATTATTTTATTGCAA			
10305	GTC	<u>327</u>	ACGTTGGATGGGTGAAGCTTGAAAGCAAGC	<u>328</u>
729511	ACGTTGGATGTTAATGTAGTAAAAAGCACG	329	ACGTTGGATGCTAGAGATCGGTTTTACACC	<u>330</u>

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
934648	ACGTTGGATGACTGGTTGATACCATAGGAC	331	ACGTTGGATGTGTACTGCTTTCATCCTTGC	332
934648	ACGTTGGATGACTGGTTGATACCATAGGAC	333	ACGTTGGATGTGTACTGCTTTCATCCTTGC	334
1010778	ACGTTGGATGCAGAGGAAAGAAAACTGAAAG	335	ACGTTGGATGGGATTTGTTCTTAATCTTTC	336
1046706	ACGTTGGATGCAAATGGGAGTCAAGTCCTC	337	ACGTTGGATGTTTTGCTCCTAAGCTGAAGG	338
1436522	ACGTTGGATGGGAATTGAAATTGGCATTGC		ACGTTGGATGATTGGAAGGAGGAAGCATAG	340
1436524	ACGTTGGATGGAGTTGCCAGTAGCTTTGAG	341	ACGTTGGATGATTGTTTCCAGGGTGCTCTG	342
1436525	ACGTTGGATGGTGCAATCTTGGTTCACTGC	343	ACGTTGGATGGCTTACACTAGCTACTTGGG	344
1436527	ACGTTGGATGAGCACTGTGAGTTAAACCTG	345	ACGTTGGATGCTGTATAGAGAGCTGTTTGC	346
1436529	ACGTTGGATGCTATGGCAGCAGAAGAGTAG	347	ACGTTGGATGAATGTTGGACCACATGTACG	348
1469869	ACGTTGGATGCATGGCGAGGAAATCTGTTT	349	ACGTTGGATGTTCGATATATCAGAGCCTTG	350
1469870	ACGTTGGATGATACTGAGCTCCATTTTGGG	<u>351</u>	ACGTTGGATGATGGCACAGTTTAGCATGTC	.352
1541998	ACGTTGGATGGCCCATGTTAACATTTTCTTC	353	ACGTTGGATGCTGATTATTCTGATGGTAATG	<u>354</u>
1946733	ACGTTGGATGGCAGGAGGATAGATCTGTAG	355	ACGTTGGATGTAGCTTCTAAACATCTCTTG	356
2043648	ACGTTGGATGTGGCTTTCTGAATGCTAGAG	357	ACGTTGGATGAGGGCGGAATGATTTTTAGC	<u>358</u>
2043649	ACGTTGGATGGCACTACATGGGACACAAAG	<u>359</u>	ACGTTGGATGGTCCTACTAGTCCCTGTATG	360
2043650	ACGTTGGATGGCTGAGGGAGAAATTGAGTG	<u>361</u>	ACGTTGGATGCTGTGCCTTGCACATAGTAG	<u>362</u>
2060588	ACGTTGGATGTTTCATTGCTCATGGATTAG	<u>363</u>	ACGTTGGATGGATAAGTATTGGCTTAATCTG	<u>364</u>
2118044	ACGTTGGATGAACAACTTGGCTAATTCTAC	<u>365</u>	ACGTTGGATGGTCATTGCCTCTAGCTAGTG	<u>366</u>
2164535	ACGTTGGATGACCAGCACTATTACCCATGC	<u>367</u>	ACGTTGGATGGAATGATGTAAACGTTGGAG	<u>368</u>
2164536	ACGTTGGATGGTGATGAAAACCATGTGAGC	<u>369</u>	ACGTTGGATGCTGGAGAACAAAAGACCACC	<u>370</u>
2164537	ACGTTGGATGCAAGGCAAAATGTTTCCAGC	<u>371</u>	ACGTTGGATGAACACACTTAGTACCCACGC	<u>372</u>
2164538	ACGTTGGATGTACTGCAGAGCTCTCCCTTG	<u>373</u>	ACGTTGGATGAGAGGTCATCTTAATGGGCC	<u>374</u>
2282596	ACGTTGGATGTCATACTGATCAACCTGAAG	<u>375</u>	ACGTTGGATGGGTGGCTTTGTGAAACCTTG	<u>376</u>
2282597	ACGTTGGATGGCATGGTTCTGTTATAAGGC	<u>377</u>	ACGTTGGATGACACTTGATTACAATGGCCC	<u>378</u>
2282598	ACGTTGGATGCACGCCTAAGCAATTAATGAC	<u>379</u>	ACGTTGGATGGTGAATGAAGGAAAAGTAGC	<u>380</u>
2289490	ACGTTGGATGTGATTACTGGATTGGCTGGG	<u>381</u>	ACGTTGGATGAAATGCCCTGAAGACCCAGC	<u>382</u>
2289491	ACGTTGGATGGGAATGCATTGTAAACCAGG	<u>383</u>	ACGTTGGATGACCTAGCCTTGCAGGAGGAC	<u>384</u>
2575672	ACGTTGGATGATAGTGTTATCACATAGACC	<u>385</u>	ACGTTGGATGCTCCAGGAGCAAGGATTATG	<u>386</u>
2575674	ACGTTGGATGGTGGGTAACAGTTTTCAGGC	<u>387</u>	ACGTTGGATGCTCTCCTACTCTTTACTGTC	<u>388</u>
2575675	ACGTTGGATGTCGTACCTGCATAAGTGGTG	<u>389</u>	ACGTTGGATGTTGGGAAGGTACTAACAGCG	<u>390</u>
2575677	ACGTTGGATGGATGCCAATTTGGTTTGCCC	<u>391</u>	ACGTTGGATGGAAGGATAAGCCACAGTGAG	<u>392</u>
2575678	ACGTTGGATGCTTCAAGAGGCCATACAGAC	<u>393</u>	ACGTTGGATGAAGCACCATTTGTGGCTCAG	<u>394</u>
2575679	ACGTTGGATGCTTTCCTGCTGCATTTAGTG	<u>395</u>	ACGTTGGATGTAAGCCAGTAACACATGCCG	<u>396</u>
2575680	ACGTTGGATGGCCCTGAAGTTTTTGAATGG	<u>397</u>	ACGTTGGATGGAGCCCAATACAATCAGGTG	<u>398</u>
2575681	ACGTTGGATGTTCACTGCTAACATGCATGG	<u>399</u>	ACGTTGGATGTTATATAGCCTTCTTTTCTC	400
2589504	ACGTTGGATGGGATAGGAAACATATTAAGG	401	ACGTTGGATGCTGTGTGATTTGGACAACCC	<u>402</u>
2589505	ACGTTGGATGAGACTGTAGCCTAAATGAGG	403	ACGTTGGATGCATTTTATGAGAAGATGCAC	404
2589506	ACGTTGGATGGCAACTCAGCTAGCCTTTAC	<u>405</u>	ACGTTGGATGTGTTATGCGGGAGTATAAGG	<u>406</u>
2589509	ACGTTGGATGTGAATCATGGTTGCCTCCTG	407	ACGTTGGATGATACGCAGGTTGTAGAGAGG	<u>408</u>
2589514	ACGTTGGATGTATACATTGTCCTGATAGAG	<u>409</u>	ACGTTGGATGCTTAAATGTCTCTAGAAAAGG	410
2589515	ACGTTGGATGCACCTGTATACCAATTTGTAG	411	ACGTTGGATGGCCAAACCATTTTGTGCCTG	412
2589516	ACGTTGGATGCATACTCTGCCAAAGTTTTA	<u>413</u>	ACGTTGGATGACTCACACTGTGGTTTGGGG	414
2589518	ACGTTGGATGCCAGGCAAAAAGAATGACCG	<u>415</u>	ACGTTGGATGAATGATATGCACCGATCTTC	<u>416</u>
2589523	ACGTTGGATGTCATGTAGCTAAACAAAGGC	417	ACGTTGGATGAGCAGGGTTAAATTTCCCAG	<u>418</u>
2589525	ACGTTGGATGAAGAACATTGAAAGAAGCAG	<u>419</u>	ACGTTGGATGGTATTTAAATTAGTGGTGTG	420
2869408	ACGTTGGATGTCCCAGTACCTAAGTAGCAG	<u>421</u>	ACGTTGGATGGCTTTGAATTACTCTGTCCC	422

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
3755970	ACGTTGGATGTACAACTAGTATCTACAGAC	423	ACGTTGGATGGTGACCATGTAGAAATCTGTG	424
3775164	ACGTTGGATGGAACATGAAAAATTCATAAGC	<u>425</u>	ACGTTGGATGAAGTTTCCCTGGTCGTGATC	<u>426</u>
3775166	ACGTTGGATGCTGTTTTTCACCCCCGATTC	<u>427</u>	ACGTTGGATGCTGAGGAGTCCATCATAGTG	<u>428</u>
3775167	ACGTTGGATGGAAACAAGCAGATGTCATGG	<u>429</u>	ACGTTGGATGGCTTCTGATTTTATATGGCAC	430
3775169	ACGTTGGATGGGGAGAGAATGGTTGCATAT	<u>431</u>	ACGTTGGATGATGCTGAACAACAGGATGGG	<u>432</u>
3775170	ACGTTGGATGCCTAAGACCTATGCTCTCAC	<u>433</u>	ACGTTGGATGCCCATTTTTGCTAGCAGGAG	<u>434</u>
3775173	ACGTTGGATGCAAGAGGGCTGCTTTAAACC	<u>435</u>	ACGTTGGATGTAAATTTGCAGAGGCCGTCG	<u>436</u>
3775176	ACGTTGGATGAAAAGGTCACCAGTGACCTG	437	ACGTTGGATGTAGTCCAAGTATTTCCCAAG	438
3775182	ACGTTGGATGGATATCTCCCTCCTATTGGC	439	ACGTTGGATGGCTGGACTCTATTAGGCCAT	440
3775183	ACGTTGGATGGATCTCTGATCTTAGACCAC	441	ACGTTGGATGTGCAGATATGTAGGCCAAGC	442
3775184	ACGTTGGATGGACCAGCAACCATGATGAAG	443	ACGTTGGATGGTTCTACTTTGACCACAGGC	444
3775187	ACGTTGGATGTAGCACCTTCAGGATCTTTC	<u>445</u>	ACGTTGGATGAATCATGATCCCAGGGCAAG	<u>446</u>
3822037	ACGTTGGATGGTAATCCATAAACTGTGGGAG	447	ACGTTGGATGTCCCACCCTGACTTCTTTGC	<u>448</u>

Please amend Table 18 on pages 94-96 as follows:

Table 18

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID	Term Mix
	TTATGTCTTGGTAGAGCC	<u>NO.</u> 449	
958			ACG
1201	TCTATTGCTTGAAGAGAGAAAG	<u>450</u>	ACT
1201	TTGCTTGAAGAGAAAG	<u>451</u>	ACT
1202	CCACCTGCACCATCGCCAT	<u>452</u>	ACT
10305	AGCTAAATTGCAACAACA	<u>453</u>	ACG
729511	ATTGAACTGTATACTTAAAAATGC	<u>454</u>	ACT
934648	ACTCTCCCACTGAGCAAGC	<u>455</u>	ACT
934648	ACTCTCCCACTGAGCAAGC	<u>456</u>	ACT
1010778	TTGAAATACTGTTTGTTTCCCCAA	<u>457</u>	ACT
1046706	TCCTAAGCTGAAGGGAATGC	<u>458</u>	CGT
1436522	GAGGAAGCATAGATTTGGTGT	<u>459</u>	ACT
1436524	CCAGGGTGCTCTGGTTTAATT	<u>460</u>	ACT
1436525	GGCTTAAACCTGGGAGG	<u>461</u>	ACG
1436527	GAGCTGTTTGCATTTATAACTCA	<u>462</u>	ACG
1436529	ACCACATGTACGTAAGGGGA	<u>463</u>	ACT
1469869	AAACACCATCTACTCTGAAGAA	<u>464</u>	ACG
1469870	CTTATATTCTCTGTGGCACCAA	<u>465</u>	ACT
1541998	ATTATTCTGATGGTAATGATCCAG	<u>466</u>	ACG
1946733	CTAAACATCTCTTGAATATTCTG	<u>467</u>	ACG
2043648	TGATTTTTAGCTAAAGGGGACA	<u>468</u>	ACT
2043649	CCTCTTGTCTTATTATCCC	<u>469</u>	ACT
2043650	GCACATAGTAGTAGCTCA	<u>470</u>	ACT
2060588	ATTGGCTTAATCTGTACATCAATT	<u>471</u>	ACG

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
2118044	GTGGGGTTAGATATTATTTCCTGA	472	CGT
2164535	GATAAATGTGAGATTGAGAGA	473	CGT
2164536	CCTGTGTTCCTTTGTATTTATAT	474	ACT
2164537	CGGCTTCTACTCTCTTATTCA	<u>475</u>	ACT
2164538	GTCACATTCTTACCCTC	476	ACT
2282596	GAAACCTTGCATGAACT	477	CGT
2282597	CAGAAGCTACTTTTCCTTCA	<u>478</u>	ACG
2282598	AGGAAAAGTAGCTTCTGGG	<u>479</u>	ACG
2289490	GCTAGACTCCTGATACC	480	ACG
2289491	GGCTTGCTCCTGGTAATTTA	481	ACG
2575672	CAAGGATTATGTTAACCACT	482	ACG
2575674	TATTCACACCTGCCTTC	<u>483</u>	CGT
2575675	GTTCTTGCCTGGTTTAC	484	ACG
2575677	GGAATGAGGGCAACAGGA	<u>485</u>	ACT
2575678	TGTGGCTCAGGTCCAGG	486	ACT
2575679	CTTCCTGGACATTAAATTGT	<u>487</u>	ACT
2575680	GGATGCATGGTTTCTCTAAT	488	ACT
2575681	TTCTTTTCTCTTTTAGGAATCT	489	ACG
2589504	GTGCTAGGATCCTCAGT	<u>490</u>	ACG
2589505	GTTTTAGCATAATTGCTTCTTTA	491	ACG
2589506	GAGAAGAAACCTGCCCA	492	ACG
2589509	AGGGCTGCAGGGAAGAT	<u>493</u>	ACT
2589514	AGAAAAGGTTTTTAAAGTCCTC	494	ACG
2589515	GAAAACTGTTACCCACTC	<u>495</u>	ACT
2589516	GGTTTGGGGGTTTCATT	<u>496</u>	CGT
2589518	TGCACCGATCTTCAAATAAA	<u>497</u>	ACG
2589523	TTTCCCAGATTAATTATCAGATT	<u>498</u>	ACG
2589525	TTAGTGGTGTGACTTGCA	<u>499</u>	ACG
2869408	CGAATCTCTTTAACTGCTG	<u>500</u>	ACT
3755970	GGTTTCTTCTAAAACTGACCT	<u>501</u>	ACT
3775164	TTTTTTGGGATCTTGATATTTTTA	<u>502</u>	ACT
3775166	AACTTATGAAAGAATATGAAGGAT	<u>503</u>	ACT
3775167	TAAGAGAAGTCTTCAGTGCTT	<u>504</u>	ACG
3775169	GCAGAGATTTTTCAAAATCTCTAA	<u>505</u>	ACT
3775170	TTTTTAAAGCTGAAAATAAACCA	<u>506</u>	CGT
3775173	GCCGTCGAACAAATACT	<u>507</u>	ACT
3775176	TATTTCCCAAGTGCCCA	<u>508</u>	ACG
3775182	CTGTCAGTTGCCTTAGG	<u>509</u>	ACT
3775183	AGTCAAGACCAGCTGGG 、	<u>510</u>	ACG
3775184	CTCTTTCTTCTGATCCC	<u>511</u>	ACT
3775187	AGTGCATTACAGTGGTC	<u>512</u>	ACT
3822037	TTTGCTTATTTCATAGAAGGAAT	<u>513</u>	ACT

Please amend Table 21 on pages 100-101 as follows:

Table 21

u chin	F	SEO ID	Barrana	CEO ID
dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
				515
	ACGTTGGATGTGAGGTGACATTTGTGTCACC	<u>514</u>	ACCTTCCATCATACTCCAACCACAACCCC	
	ACCITICATECT AND CARCOLLOS	<u>516</u>	ACCTTCCATCCAATCTCCCAAATTCTCCCC	<u>517</u>
	ACGTTGGATGGTTCTAATGTCACCCCTTCC	<u>518</u>	ACCTTGGATGCAATGTGGCAAATTTAAGTG	<u>519</u>
	ACGTTGGATGCACACACTCTTCTCAAGTGC	<u>520</u>	ACCTTGGATGGGAGGGACACAATTTAACTC	<u>521</u>
	ACGTTGGATGGGGAGTCATTCCAATACCAG	<u>522</u>	ACGTTGGATGGGAGTGAAAGGTCATATTGG	<u>523</u>
	ACGTTGGATGATCACTGCAACCTCCACCTC	<u>524</u>	ACGTTGGATGTGTGGCATGAGCCTGTAATC	<u>525</u>
	ACGTTGGATGAAGCCTCAGATGAGGCATAC	<u>526</u>	ACGTTGGATGTCTGAAAGGGTTCAGGAAGG	<u>527</u>
	ACGTTGGATGCAAATCACCCCTGACAATTC	<u>528</u>	ACGTTGGATGACCAGCACACTCAGCTTTAG	<u>529</u>
519088	ACGTTGGATGTCACCTGAGGTCAGGAGTTG	<u>530</u>	ACGTTGGATGAGGTTTCACCATGTTAGCCG	531
529055	ACGTTGGATGCTGCAGTTATCTGGGTGAGC	<u>532</u>	ACGTTGGATGCCAGAACGTGGCTTGTTGGG	533
534333	ACGTTGGATGCGTTGATGCACTGAAGGGAG	<u>534</u>	ACGTTGGATGAGAGGCTAAATGTTGGCAGG	535
536111	ACGTTGGATGTGTATCTGATCCCAGGTCAC	<u>536</u>	ACGTTGGATGATTGGTGTTAAGTGGCGTGC	<u>537</u>
536213	ACGTTGGATGTGAGGACCTCATTATTGGTG	<u>538</u>	ACGTTGGATGCTGAGCAATCGAACTGCTAC	<u>539</u>
571761	ACGTTGGATGAATATCCTAGGCTAGCAGTG	<u>540</u>	ACGTTGGATGGTGCATAAATACATGAATAG	<u>541</u>
575326	ACGTTGGATGACAGAGGGCTTGGTCATAC	<u>542</u>	ACGTTGGATGGGTGCTTGGTTGTGATTCTC	<u>543</u>
575386	ACGTTGGATGATTCCTGCAGGTACTGTGTC	<u>544</u>	ACGTTGGATGTGAGCCCAAAACTACTGCTG	<u>545</u>
578886	ACGTTGGATGATGAAGTCTCGCTCTGTTGC	<u>546</u>	ACGTTGGATGAATCACTTGAACCCAGGAGG	<u>547</u>
602646	ACGTTGGATGTCTGGGACCGTTTACCGCA	<u>548</u>	ACGTTGGATGGAGGAGACCCAGGGTATGAG	<u>549</u>
619424	ACGTTGGATGACCGGGAGCTCCCAGTCTG	<u>550</u>	ACGTTGGATGTGGGAATCGGTTGAGAGCCG	<u>551</u>
620722	ACGTTGGATGTAAGGCGCCTGCAGAGGCGA	<u>552</u>	ACGTTGGATGGCAGCAAAGAATTGCCCGGC	<u>553</u>
631755	ACGTTGGATGATTTGTAGCTTTGCCCCAGC	<u>554</u>	ACGTTGGATGTTTGTGAGCTCCAAGTTGGG	<u>555</u>
639690	ACGTTGGATGGCATTTTACCACCATGTGGTT	<u>556</u>	ACGTTGGATGCCTTCATGTTAATTCTGCCC	<u>557</u>
645039	ACGTTGGATGCCTCTGAGTTCCCTCAGTTT	558	ACGTTGGATGTTATCACCCTGCTGTCCTAC	559
664010	ACGTTGGATGTGGTACCTCCAGGTAAAATG	560	ACGTTGGATGTCCAGGCAGTCATTTTACCC	<u>561</u>
670232	ACGTTGGATGGAAGGTGGAGCAGACATTAG	562	ACGTTGGATGACCTTAGTTATACCAGGCAC	563
678454	ACGTTGGATGTTAAGCCAGTCCCCACAAGG	564	ACGTTGGATGTTCTCTGCGGAGGAAAGTGC	565
681516	ACGTTGGATGCTCCTCCTCAGAGGACTAAC	566	ACGTTGGATGAGCCCAAGGACTCATACAAC	567
683302	ACGTTGGATGACCACGCCTGGCTAATTTTG	568	ACGTTGGATGAAACATGGCGAAACCCGGTC	569
684174	ACGTTGGATGCTTTACTGAGTGGGCAAACG	570	ACGTTGGATGTCTAAGTGGAACTCAGCAGC	571
684846	ACGTTGGATGAAGTTCCTCTGGTGGACAAC	572	ACGTTGGATGACCACCAGATAAAATCCCTC	573
693208	ACGTTGGATGTTTTGACAGGGCTTGAGTCC	574	ACGTTGGATGGCTGAAAGCCCTCAATCTAG	575
	ACGTTGGATGCAATTGCTCAGACCTTCACC	576	ACGTTGGATGAATGCTAGAGACATTGCACC	577
831245	ACGTTGGATGCTAGAATTACAGGTGCACAC	578	ACGTTGGATGGCCAAGATGGTGAAACCTTG	579
831246	ACGTTGGATGCACAATCTGTTAGAATGGTGG	580	ACGTTGGATGCGTCAAGACTGAATGCATAG	<u>581</u>
831247	ACGTTGGATGGAAAATATAGTCCTACACAA	582	ACGTTGGATGCGTCAAGACTGAATGCATAG	583
831249	ACGTTGGATGTCTCCTAATGCTATCCCTCC	584	ACGTTGGATGAACACATGGACACAGGAAGG	585
831250	ACGTTGGATGAGGGACATGGATGAAATTGG	<u>586</u>	ACGTTGGATGAATTCCCACCTATGAGTGAG	587
831252	ACGTTGGATGTGGGTATATACCCAAAGGAC	588	ACGTTGGATGGGTTGGTTCCAAGTCTTTGC	589
903950	ACGTTGGATGTTCAGTTCAGGGAGAGATC	<u>590</u>	ACGTTGGATGATAGGGCCCCCAGCATAAAA	<u>505</u>
	ACGTTGGATGCTTCAGTTCAGGGAGAGATC ACGTTGGATGTGGTAGAGATGAGGTCTTGC		ACGTTGGATGAAAGGCAGGAGGATTGCTTG	593
940054	ACGTTGGATGTGGTAGAGATGAGGTCTTGC ACGTTGGATGTATGCTTCCAGTCTCTGACC	<u>592</u>	ACGTTGGATGAAAGGCAGGAGGATTGCTTG ACGTTGGATGATAGGTAATCCAGTTGGGCC	595
		<u>594</u>		
	ACCTTCCATCCTCTCCCAAACTTCCCTTAC	<u>596</u>	ACCITICATE ACCIONAGE CARACACACACACACACACACACACACACACACACACAC	<u>597</u>
1390831	ACGTTGGATGGTCTGCCAAAGTTCCCTTAG	<u>598</u>	ACGTTGGATGAGGAAAGGGAAGAGAAACCG	<u>599</u>

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
1403452	ACGTTGGATGCAGAAGTTAGGATGCAGATG	<u>600</u>	ACGTTGGATGCCAGTAGAGATAGAATTTTGG	<u>601</u>
1502761	ACGTTGGATGCAGAAATATGAAGGTGGCCC	<u>602</u>	ACGTTGGATGACCTTGAGCTCTGAGCCCTT	<u>603</u>
1629673	ACGTTGGATGAAGGATCACGTGAAGTCAGG	<u>604</u>	ACGTTGGATGGGCACCATGTGTGGCTAATT	<u>605</u>
1813856	ACGTTGGATGTCTGACTCCCTGATTCAAGC	<u>606</u>	ACGTTGGATGACAAAAATTAGCCGGGCGTG	607
1983421	ACGTTGGATGTCCAGGTGTTATGGAGTCAG	<u>608</u>	ACGTTGGATGGGCTTCTTGTGCTGCTGTGT	<u>609</u>
2001449	ACGTTGGATGATGTCAAGTGCACCCACATG	<u>610</u>	ACGTTGGATGAGGAAGAAACTGACGGAAGG	<u>611</u>
2017340	ACGTTGGATGTATTCCACTGCCTGCTTTCC	<u>612</u>	ACGTTGGATGGAAAACAGGAGGAAGTGGTG	<u>613</u>
2030578	ACGTTGGATGTTCTCCACTTTCTGGTCAAC	<u>614</u>	ACGTTGGATGAACAACCTTACTTCATGCCC	<u>615</u>
2049280	ACGTTGGATGCTTCCCAACATTTTCGGCTC	<u>616</u>	ACGTTGGATGTGGATACTGAGGGTCAACTG	<u>617</u>
2103062	ACGTTGGATGTGCAGCCCTCAACCTTTCAG	<u>618</u>	ACGTTGGATGCCTTATTCAGTTACTATTACG	<u>619</u>
2272115	ACGTTGGATGAGTTGTGAGTGATTTCAGGG	<u>620</u>	ACGTTGGATGCAGGCCTTCTTGCTCTTATC	<u>621</u>
2272116	ACGTTGGATGATCTGTTGCCTTAGGTTCAC	<u>622</u>	ACGTTGGATGCTGTGCCTTCTGAGTAGTTC	<u>623</u>
2314415	ACGTTGGATGGGCTGAGTAACAGTCCATTG	<u>624</u>	ACGTTGGATGCTTACAGTATCCAAAAAGGG	<u>625</u>
2314730	ACGTTGGATGCTCAGGTAATCTGCCTTCTC	<u>626</u>	ACGTTGGATGCAGGGATAATGAGAACAAATC	<u>627</u>
2653845	ACGTTGGATGATCACTTGGACTCAGGAAGC	<u>628</u>	ACGTTGGATGAGTCTTGCTCTGTTTCCAGG	<u>629</u>
3732603	ACGTTGGATGCTCTCAATTCCATCAGTCTC	<u>630</u>	ACGTTGGATGCTTTACGAATTTCACAACAGG	<u>631</u>
3811728	ACGTTGGATGACGCGCCACACCTCCCTAC	<u>632</u>	ACGTTGGATGACGTGTCGGTCCCCTTTCAT	<u>633</u>
3811729	ACGTTGGATGTGGGCGAGGTTCTGCAGCGT	<u>634</u>	ACGTTGGATGGTTTCGTTTCTCCGGCACAG	<u>635</u>
3811731	ACGTTGGATGTGCGGTAAACGGTCCCAGAG	<u>636</u>	ACGTTGGATGAACTCCGCCGGCCCCCTCCTA	<u>637</u>
3821522	ACGTTGGATGAACCCGCACTACAAGATTCC	<u>638</u>	ACGTTGGATGGTCAGTCCCACATTCAGAAC	<u>639</u>

Please amend Table 22 on pages 101-103 as follows:

Table 22

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
471365	TCCAAAACCACCAGATAAAATC	<u>640</u>	ACT
472795	GACATGTCCCTCTCGGCCT	<u>641</u>	ACG
484315	GGTATCAGGAAGAGTCA	<u>642</u>	ACT
488277	AGTGCACACAGAACATTTAACA	<u>643</u>	ACT
496251	GTATTGTCCTCCAGTGA	<u>644</u>	ACG
502289	CTGTAATCCCAGCTACTC	<u>645</u>	ACT
507079	GGCAATGTTTGCCCTTT	<u>646</u>	ACG
512071	CCCTGACAATTCCAAAACTAA	<u>647</u>	ACG
519088	TTTCGCCATGTTTGCCAGG	648	ACG
529055	GAGCAGGCACAAGT	<u>649</u>	ACT
534333	GGGAGAAAGTAACAGGGTC	<u>650</u>	ACT
536111	GTGAAGGTCTGAGCAAT	<u>651</u>	ACG
536213	TGGTGTTAAGTGGCGTG	652	ACG
571761	CTAGGCTAGCAGTGGGGTTG	<u>653</u>	ACT
575326	TGGTCATACCCTTCAAG	<u>654</u>	ACT
575386	GAAGGGTATGACCAAGC	<u>655</u>	ACT

dbSNP	Extend	SEQ ID	Term
rs#	Primer	NO.	Mix
578886	TGAGCCAAGATCATGCC	<u>656</u>	CGT
602646	CCAGGGTATGAGCGGAGGA	<u>657</u>	ACT
619424	TGCGGCCCCGCCGGGTT	<u>658</u>	ACT
620722	GAATTGCCCGGCTCCGAAT	<u>659</u>	ACT
631755	TCCAAGTTGGGTCAAAG	<u>660</u>	ACT
639690	CTGCTATTCATTTGTGTAGA	<u>661</u>	ACT
645039	CCCTCAGTTTTTATTGATTATT	<u>662</u>	ACT
664010	ACCTCCAGGTAAAATGATTAGTT	<u>663</u>	ACT
670232	TGGGCAAACAAGCCCAT	<u>664</u>	CGT
678454	CAGGGATGGTAATTGAC	<u>665</u>	ACG
681516	GGCCACCTTCATATTTC	<u>666</u>	ACG
683302	CAGGAGATCCAGACCATCCC	<u>667</u>	ACG
684174	CTCTGATGTTACCTCCTCC	<u>668</u>	ACT
684846	AGTTGTTCAGATCCTCC	<u>669</u>	ACT
693208	TCAATCTAGTGATAAGGAGGGT	<u>670</u>	ACT
831242	CAGGTGGATGGGGACAC	<u>671</u>	ACT
831245	CACACCACGCCCGGCT	<u>672</u>	ACT
831246	AGAATGGTGGTGTATTTTTAC	<u>673</u>	ACT
831247	TAGTCCTACACAATCTGTTA	<u>674</u>	ACT
831249	GCTATCCCTCCCCCTTCCC	<u>675</u>	ACG
831250	GACAAAAACCAAACACC	<u>676</u>	ACT
831252	CTATAAAGACACATGCACAC	<u>677</u>	ACT
903950	AGATCACATTGCCAACCCCCA	<u>678</u>	CGT
940054	AAAGTAGCAGTTTGAGACCA	<u>679</u>	ACT
940055	GTCTCTGACCACTTGACCCA	<u>680</u>	ACT
1353566	TTGTCAGTTATGAGACCTTG	<u>681</u>	CGT
1390831	GGTTAGGAAGAAATCTGTG	<u>682</u>	ACT
1403452	CACAGATGCTCATGGGTCC	<u>683</u>	ACT
1502761	GGAGGAGGCACTATTAAT	<u>684</u>	ACT
1629673	TGTGGAGACAAGGTCTCACT	<u>685</u>	ACT
1813856	TCAAGCGATTCTCCTGC	<u>686</u>	ACG
1983421	GGCAGGGAAGAGAGAGC	<u>687</u>	ACT
2001449	CACATGCCTGCTCGCCCCC	<u>688</u>	ACT
2017340	CCCTAAAGCATCTCACAGCCCC	<u>689</u>	ACT
2030578	TCATGCCCATTGGGTTAG	<u>690</u>	ACT
2049280	GGGTCAACTGTACCAAG	<u>691</u>	ACG
2103062	GAGATCATTTCTCCTTCAAC	<u>692</u>	ACT
2272115	ATACCTCAGAATACAGCTTTTTT	<u>693</u>	ACG
2272116	TCTCATTTCTCCTCTCTTC	<u>694</u>	ACG
2314415	TAGTTGATGAAGATTTGGG	<u>695</u>	ACT
2314730	тссттсттстстдсттт	<u>696</u>	ACT
2653845	AAGCGGAGGTTGCAGTGAGC	697	ACG
3732603	CTCATTTCCACCCTTCT	<u>698</u>	ACT

dbSNP rs#	Extend Primer	SEQ ID NO.	Term Mix
3811728	GTCCCCTTTCATCTAAAC	<u>699</u>	ACT
3811729	TCTGCAGCGTGCGGCGA	<u>700</u>	ACT
3811731	CCTACCCCTACGGAGCC	<u>701</u>	ACT
3821522	GCATCTTCAGGAATCTTG	<u>702</u>	ACT

Please amend Table 24 on page 105 as follows:

Table 24

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
rs7639705	ACGTTGGATGTGTCAGAAAGCAAACCTGGC	<u>703</u>	ACGTTGGATGTTACAGGCATTGGAGACAGC	<u>704</u>
rs2293203	ACGTTGGATGCTGCATAATGGTGGCTTTGG	<u>705</u>	ACGTTGGATGTGTGGGTGTTCACTTTGCAG	<u>706</u>
rs3732602	ACGTTGGATGCCCTCTTGTCAGGAAGTTCT	<u>707</u>	ACGTTGGATGGAGACAGAGTTGAACTCCCG	<u>708</u>
rs2001449	ACGTTGGATGAGGAAGAAACTGACGGAAGG	<u>709</u>	ACGTTGGATGATGTCAAGTGCACCCACATG	<u>710</u>
rs6804951	ACGTTGGATGAAGATACGAATGGAGCCTGG	711	ACGTTGGATGGCAATAGGACTCCCTTTACC	712

Please amend Table 25 on pages 105-106 as follows:

Table 25

dbSNP rs#	SEQ ID NO.	Extend Primer	Term Mix
rs7639705	713	TGATGCACGTGGAGCAG	CGT
rs2293203	714	GCCCTGGAAAAGGCCC	CGT
rs3732602	<u>715</u>	GGAAGATGATGAGACTAAAT	ACG
rs2001449	<u>716</u>	CACATGCCTGCTCGCCCCC	ACT
rs6804951	717	TCCCTTTACCTTCATGG	ACG

Please amend Table 28 on pages 108-109 as follows:

Table 28

dbSNP rs#	Forward PCR primer	SEQ ID NO.	Reverse PCR primer	SEQ ID NO.
744293	ACGTTGGATGTCTGCAGACAGTGGCCAATG	<u>718</u>	ACGTTGGATGAGGGCCCAGGATCACAATAG	<u>719</u>
750789	ACGTTGGATGTTCATCTGGTAAGTCCCACC	<u>720</u>	ACGTTGGATGTGAAACAAGAGAGGCCCTTC	<u>721</u>
1939110	ACGTTGGATGTCTTTAGGTCCAGGATTCCC	<u>722</u>	ACGTTGGATGTATAGTCAGCATCGTCCCTG	<u>723</u>
2005192	ACGTTGGATGCCCTCAGAGTTTGGACATAT	<u>724</u>	ACGTTGGATGTATCCAAAATGCAGACACAG	<u>725</u>
SNP0000				
4859	ACGTTGGATGGTGTTTATCCCAACCCTTCC	<u>726</u>	ACGTTGGATGGGAGGAAATACAGCCTGTTC	<u>727</u>
744292	ACGTTGGATGATCCTAGAGGACTGGGAAAG	<u>728</u>	ACGTTGGATGCTGCTTCTGTTCCCACAATG	<u>729</u>
754490	ACGTTGGATGAAGGGTGGAGAACTCATGGG	<u>730</u>	ACGTTGGATGACCCCTATTTTGAAGCAGGC	<u>731</u>

dbSNP	Forward	SEQ ID	Reverse	SEQ ID
rs#	PCR primer	NO.	PCR primer	NO.
872619	ACGTTGGATGTTCACACCAAGGTGTTACTG	732	ACGTTGGATGCACAATAATGTGTTCAGGGC	<u>733</u>
1807014	ACGTTGGATGCTGGGCAACAAGAGTGAAAC	734	ACGTTGGATGGCCCAAAACCACTGAGATTC	<u>735</u>
1815753	ACGTTGGATGTAGAGTGAAGACAGAGCTCC	736	ACGTTGGATGATAAACCCAGGCATTCGAGC	<u>737</u>
1892893	ACGTTGGATGTCCTATGAAGATTCATCTGC	<u>738</u>	ACGTTGGATGGTCCAGAGTTTTAGACTCAAG	<u>739</u>
1939111	ACGTTGGATGTCCTTAACCTTATTGGTGGC	740	ACGTTGGATGGTTGGGTTCAGTAGAAGAGA	741
1939112	ACGTTGGATGAGCCACCAATAAGGTTAAGG	742	ACGTTGGATGTGTCTCTCACTTCCTCAACC	<u>743</u>
1939113	ACGTTGGATGAGACACACAAGGCAAGGTTC	744	ACGTTGGATGCCAGAGAGGAGTCTGTCTAG	<u>745</u>
1939114	ACGTTGGATGGAAAACATTGGTCCAGGCAG	<u>746</u>	ACGTTGGATGCAAGAACCCAGGCATCAATG	<u>747</u>
1939115	ACGTTGGATGGACCACGGAATCCTTTTTCA	<u>748</u>	ACGTTGGATGGCTCAAATTCTGTTCTTTAG	<u>749</u>
1939116	ACGTTGGATGACATAGGTAGTCAGGCACTC	<u>750</u>	ACGTTGGATGGCAGCTCTTTTTTTCCTACC	<u>751</u>
1939117	ACGTTGGATGGGGAACTTTTCACATTACAC	<u>752</u>	ACGTTGGATGGAGAGTTTGCATTTGGTGATC	<u>753</u>
1939118	ACGTTGGATGATGTTGCTGTATGGTCCTCC	<u>754</u>	ACGTTGGATGGAAAACATTGCGCTAGGCAC	<u>755</u>
1954769	ACGTTGGATGTGAGTGACCAAGTTGCTCTG	<u>756</u>	ACGTTGGATGTCTACCTTCATGATGTCCCC	<u>757</u>
2000537	<u>ACGTTGGATGGGTCTTTTATGAGGTTTCTCC</u>	<u>758</u>	ACGTTGGATGGTTAAACTTACAAATCTAGC	<u>759</u>
2011913	ACGTTGGATGGCTGAGTGTGGATTGCTCTG	<u>760</u>	ACGTTGGATGAGTAAACCAACACCCAGAAC	<u>761</u>
2015747	ACGTTGGATGTGAAGCAGGCTTTCCCAATG	<u>762</u>	ACGTTGGATGGGTAGTGAAGGGTGGAGAAC	<u>763</u>
2105587	<u>ACGTTGGATGAAGAAATACCAGGCCGGGAG</u>	<u>764</u>	ACGTTGGATGCTCAAGTATCCTCCCTTCTC	<u>765</u>
2155081	ACGTTGGATGAGGCAATGCTTCCATTGTTC	<u>766</u>	ACGTTGGATGTCATAGCATTTTACCCCTGG	<u>767</u>
2186617	ACGTTGGATGGCTACATATGGATCTTGGTC	<u>768</u>	ACGTTGGATGGACCAGCACTAACTCTAAAC	<u>769</u>
2508423	ACGTTGGATGCTCCTCTGTAAAACCAGGAC	<u>770</u>	ACGTTGGATGAGAAACTCTCCTAAGCACAC	771
2511880	ACGTTGGATGGTTCCCTGATGGAAAATGCC	<u>772</u>	ACGTTGGATGCCAGAATGCCTTATCCACAG	<u>773</u>
2511881	ACGTTGGATGTGACTCTGCTGTGAGATTGG	774	ACGTTGGATGACATCGGTTTCACCTCCAAC	<u>775</u>
2512990	ACGTTGGATGAGCCAGCAGAGAAAACAGTC	<u>776</u>	ACGTTGGATGGCCACTTACTACCTGTTGTC	777
2555537	ACGTTGGATGGGACATAACCATAGGCCATC	<u>778</u>	ACGTTGGATGCATTGACAGCTGTATTGCAC	<u>779</u>
3016250	ACGTTGGATGTTTTTGAGACGGAGTCTCGC	<u>780</u>	ACGTTGGATGAGGCAGGAGAATGGCGTGAA	<u>781</u>
3016251	ACGTTGGATGAGCTTGCAGTGAGCCGAGAT	<u>782</u>	ACGTTGGATGTTTTTGAGACGGAGTCTCGC	<u>783</u>
3016252	ACGTTGGATGTGGTGAAGAGAAGTCAAAGC	<u>784</u>	ACGTTGGATGAGGCTGAATGATTCCCCTTC	<u>785</u>
3781614	ACGTTGGATGTGGTCAGTTAGCCAGG	<u>786</u>	ACGTTGGATGCCCTAATGATGGTAGACTGC	<u>787</u>
3809048	ACGTTGGATGACCACCAAGATAACGACCGC	<u>788</u>	ACGTTGGATGAGCCACCTCCTTGTCCAGTG	<u>789</u>
4128368	ACGTTGGATGGGACAATATTTAGTTATGCAC	<u>790</u>	ACGTTGGATGTTCAAGGTCATCCCGTTATC	<u>791</u>

Please amend Table 29 on pages 109-110 as follows:

Table 29

dbSNP rs#	SEQ ID NO.	Extend Primer	Term Mix
744293	792	GATGGCCCAGTTCCCTGCC	ACG
750789	<u>793</u>	AGAGGCCCTTCCAGGGCT	ACT
1939110	<u>794</u>	CGTCCCTGACCTGGACTTA	ACG
2005192	<u>795</u>	AATGCAGACACAGTTCTGGG	CGT
SNP00004859	<u>796</u>	CTGAAAAATAGCTAGTTC	ACG
744292	<u>797</u>	ACTCACCTCTACCCATAAGG	ACT
754490	<u>798</u>	TTGAAGCAGGCTTTCCCA	ACT

872619	<u>799</u>	TGTGTTCAGGGCTTTCTCAT	ACT
1807014	<u>800</u>	GTGTTTTTTTTCCCCC	ACG
1815753	<u>801</u>	CAGGCATTCGAGCCAGCAAT	ACT
1892893	<u>802</u>	ATGTTTATTCTTTCACAAAAGT	ACT
1939111	<u>803</u>	GGAGGAGGCAGTAAGGAA	ACT
1939112	<u>804</u>	CTTCCAACTTTTTCTCTTG	ACT
1939113	<u>805</u>	GTCTAGTCCTCCAAGCC	ACG
1939114	<u>806</u>	ATCAATGGGGTGGTGCA	ACT
1939115	<u>807</u>	TCTGTTCTTTAGAAGGCT	CGT
1939116	<u>808</u>	TGTACCAATATGACAATTTAACC	ACT
1939117	<u>809</u>	CCTGACACATAGTTCATGCTC	ACT
1939118	<u>810</u>	GCTAGGCACAAAATTAAAGAGAT	ACT
1954769	<u>811</u>	TCCCCGCCTTTCCCTCC	CGT
2000537	<u>812</u>	ACAAATCTAGCACCGAAGG	ACT
2011913	<u>813</u>	ATATAAGCAATTCACAAGTAATGT	ACT
2015747	<u>814</u>	AAGGGTGGAGAACTCATGG	ACT
2105587	<u>815</u>	TATCCTCCCTTCTCAGCAAG	ACT
2155081	<u>816</u>	CATTITACCCCTGGATTATA	ACT
2186617	<u>817</u>	CTCAACCTCAACTCAACT	CGT
2508423	<u>818</u>	TCTCCTAAGCACACTATGTATAT	ACG
2511880	<u>819</u>	AGGATATTAGTCATGCTGGG	ACT
2511881	820	CACCTCCAACACGGTCCCC	CGT
2512990	<u>821</u>	GTTGTCTTCCCAACTCC	ACT
2555537	<u>822</u>	ACTGTGGACATTGGTGT	ACT
3016250	<u>823</u>	GGCGTGAACCCGGGAGG	ACG
3016251	<u>824</u>	CTGTCGCCCAGGCCGGA	ACT
3016252	<u>825</u>	GATTCCCCTTCTTCTAAA	ACT
3781614	826	TAGACTGCAGAGTAGCA	ACT
3809048	<u>827</u>	TGGGCCTACTTCCCTGA	ACT
4128368	<u>828</u>	TTTTCATCACATAGCTCATCT	CGT

Please amend Table 36 on page 120 as follows:

Table 36

siRNA	siRNA Target	Sequence Specificity	SEQ ID NO.
ICAM1_293	ICAM1	ACAACCGGAAGGUGUAUGA	<u>829</u>
ICAM1_335	ICAM1	GCCAACCAAUGUGCUAUUC	830
ICAM1_604	ICAM1	GAUCACCAUGGAGCCAAUU	<u>831</u>
ICAM1_1409	ICAM1	CUGUCACUCGAGAUCUUGA	832
siRNA_RAD21_1175 positive control	RAD21	GAGUUGGAUAGCAAGACAA	833
siGL2 negative control	GL2	CGUACGCGGAAUACUUCGA	834